

สถานการณ์สายพันธุ์เชื้อไวรัส SARS-CoV-2 ในประเทศไทย ประจำเดือน มกราคม 2569



สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข
กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ กระทรวงสาธารณสุข

อัตลักษณ์ สวส.

สามัคคี มีวินัย ซื่อสัตย์ รับผิดชอบ

องค์การอนามัยโลกยังคงให้ความสำคัญกับการติดตามเชื้อไวรัส SARS-CoV-2 กลุ่ม Omicron จำนวน 6 สายพันธุ์ จากข้อมูลความชุกและตำแหน่งการกลายพันธุ์ที่เป็นปัจจัยส่งผลต่อความสามารถในการแพร่เชื้อ ได้แก่

- ➔ **สายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง** หรือ Variants of Interest (VOI) จำนวน 1 สายพันธุ์ ได้แก่ JN.1*
- ➔ **สายพันธุ์ที่ต้องจับตามอง** หรือ Variants under monitoring (VUM) จำนวน 5 สายพันธุ์ ได้แก่ XFG* NB.1.8.1*, BA.3.2*, KP.3.1.1* และ LP.8.1*

สถานการณ์ภาพรวมทั่วโลก

ตั้งแต่วันที่ 30 พฤศจิกายน - 28 ธันวาคม 2568

Variant	Variant type	30 Nov 2025	7 Dec 2025	14 Dec 2025	21 Dec 2025	28 Dec 2025
BA.3.2	VUM	3.38	4.23	4.67	4.59	2.78
JN.1	VOI	4.45	6.89	7.37	8.14	5.56
KP.3.1.1	VUM	2.57	1.26	1.87	2.51	No data
LP.8.1	VUM	0.5	0.59	0.1	0.21	No data
NB.1.8.1	VUM	15	15.6	13.9	13.2	9.26
XFG	VUM	68.4	64.1	65.7	65.3	75

Footnote: Variants presented in this table include the respective descendant lineages, except those individually specified elsewhere in the table.

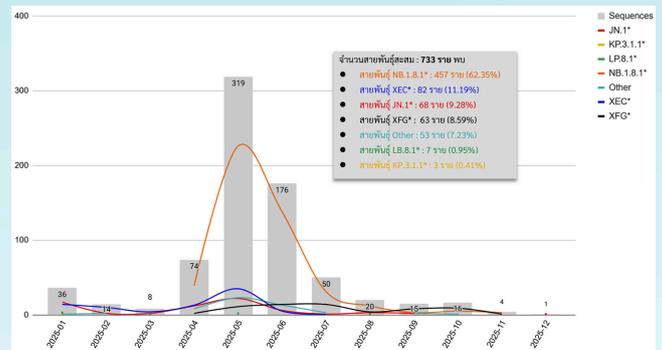
สืบค้นข้อมูล ณ วันที่ 29 มกราคม 2569

- ➔ XFG* ยังคงเป็นสายพันธุ์หลัก และมีแนวโน้มการแพร่ระบาด **เพิ่มขึ้น**
- ➔ BA.3.2*, JN.1*, NB.1.8.1* เป็นสายพันธุ์ที่มีแนวโน้มการแพร่ระบาด **ลดลง**
- ➔ KP.3.1.1*, LP.8.1* ไม่พบรายงานข้อมูลสายพันธุ์ในช่วงเวลาดังกล่าว

สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย

จากฐานข้อมูล GISAID

ตั้งแต่วันที่ 1 มกราคม 2568 - 29 มกราคม 2569



แหล่งข้อมูล : ฐานข้อมูลกลาง GISAID ณ วันที่ 29 มกราคม 2569

จำนวนสายพันธุ์สะสม 733 ราย พบ

- ➔ NB.1.8.1* : สายพันธุ์หลักที่มีการระบาดในประเทศไทย พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 457 ราย (62.35%)
- ➔ XEC* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 82 ราย (11.19%)
- ➔ JN.1* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 68 ราย (9.28%)
- ➔ XFG* : พบจำนวนผู้ป่วยสะสม 63 ราย (8.59%)

สถานการณ์สายพันธุ์โอไมครอนในประเทศไทย ระหว่างวันที่ 23 ธันวาคม 2568 ถึง 22 มกราคม 2569

ห้องปฏิบัติการฝ่ายไวรัสระบบทางเดินหายใจ สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข ไม่มีตัวอย่างส่งตรวจจากเครือข่ายเฝ้าระวัง และไม่พบการรายงานข้อมูลการถอดรหัสพันธุกรรมเพิ่มเติมจากหน่วยงานอื่นในประเทศไทย แม้จำนวนสิ่งส่งตรวจจะลดลงก็มิได้เป็นตัวชี้วัดถึงการสิ้นสุดของการแพร่ระบาด แต่อาจสะท้อนให้เห็นถึงแนวโน้มจำนวนผู้ป่วยที่มีอาการรุนแรงที่ลดน้อยลง

กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ยังคงมีมาตรการเฝ้าระวังและความพร้อมของระบบตรวจวิเคราะห์ เพื่อรองรับการอุบัติของสายพันธุ์ใหม่ในอนาคตอย่างต่อเนื่อง ปัจจุบัน ประเทศไทยเผยแพร่จีโนมสะสม 48,473 ราย นับตั้งแต่เริ่มสถานการณ์ระบาดโรคโควิด 19 เดือนมกราคม 2563 ถึง 29 มกราคม 2569

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข

<http://nih.moph.go.th>

thainih@dmsc.mail.go.th

@thailandnih

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข
กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์สาธารณสุข
Thainih

0 2951 0000

